

3111/B/P01/2009/37 Struktura genetyczna środkowoeuropejskich populacji kserotermicznych chrząszczy (Coleoptera: Buprestidae, Chrysomelidae): historia kolonizacji, stopień izolacji i status taksonomiczny	
Kierownik projektu:	dr Daniel Kubisz (ISEZ PAN) e-mail: kubisz@isez.pan.krakow.pl
Wykonawcy:	dr Łukasz Kajtoch (ISEZ PAN) Prof. dr hab. Jerzy M. Gutowski (Instytut Badawczy Leśnictwa) dr hab. Wiesław Babik (Uniwersytet Jagielloński) dr Miłosz A. Mazur (Uniwersytet Opolski)
Współpracownicy	dr hab. Dorota Lachowska-Cierlik (Uniwersytet Jagielloński) dr hab. Milada Holecová (Uniwersytet Komeńskiego, Słowacja) mgr Agata Lis (ISEZ PAN)
Źródło finansowania:	Ministerstwo Nauki i Szkolnictwa Wyższego
Kwota na realizację:	294 000 zł
Okres realizacji:	2009-2012
Opis projektu:	<p>Głównym celem przedstawionego projektu jest zbadanie zmienności genetycznej populacji trzech gatunków chrząszczy kserotermicznych (stonek <i>Cheilotoma musciformis</i> i <i>Crioceris quatuordecimpunctata</i> oraz bogatka <i>Coraebus elatus</i>) występujących na siedliskach kserotermicznych w środkowej Europie. Gatunki te są dobrymi reprezentantami entomofauny kserotermicznej. Poprzez zbadanie ich zmienności genetycznej możliwe będzie wyjaśnienie pochodzenia tego typu siedlisk i gatunków na tym obszarze oraz określenie czynników genetycznych jakie mogą wpływać na zanik populacji entomofauny kserotermicznej. Siedliska kserotermiczne, uważane za relikty plejstocenijskiej stepotundry, są współcześnie w regresie przez co wiele zamieszkujących je organizmów narażonych jest na redukcję zasięgu, fragmentację populacji i wymarcie.</p> <p>Problematyka badawcza obejmowała określenie stopnia izolacji oraz potencjalnych szlaków migracji (historycznych i współczesnych) między populacjami oraz identyfikację odrębnych genetycznie grup populacji (jednostek konserwatorskich) i rewizja ich statusu systematycznego.</p> <p>W projekcie przeanalizowano i opisano genetykę konserwatorską i zidentyfikowano jednostki ewolucyjne dla wszystkich wytypowanych gatunków chrząszczy kserotermicznych tj. stonki <i>Cheilotoma musciformis</i> (Kajtoch i in. 2013), stonki <i>Crioceris quatuordecimpunctata</i> (Kubisz i in. 2012a) oraz bogatka <i>Coraebus elatus</i> (Kajtoch i in. 2014), a także opracowano barkoding dla środkowoeuropejskich stonek z rodzaju <i>Crioceris</i> (Kubisz i in. 2012b).</p>

Publikacje	<p><u>Kajtoch Ł., Kubisz D., Gutowski J.M., Babik W. 2014. Evolutionary units of <i>Coraebus elatus</i> (Coleoptera: Buprestidae) in central and eastern Europe - implications for origin and conservation. <i>Insect Conservation and Diversity</i> 7: 41–54.</u></p> <p><u>Kajtoch Ł., Kubisz D., Lachowska-Cierlik D., Mazur M.A. 2013. Conservation genetics of endangered leaf-beetle <i>Cheilotoma musciformis</i> populations in Poland. <i>Journal of Insect Conservation</i> 17: 67–77.</u></p> <p><u>Kubisz D., Kajtoch Ł., Mazur M.A., Lis A., Holecová M. 2012. Conservation genetics of highly isolated populations of xerothermic <i>Crioceris quatuordecimpunctata</i> (Coleoptera: Chrysomelidae). <i>Invertebrate Biology</i> 131: 333-344.</u></p> <p><u>Kubisz D., Kajtoch Ł., Mazur M.A., Rizun V. 2012. Molecular barcoding for central- eastern European <i>Crioceris</i> leaf-beetles (Coleoptera: Chrysomelidae). <i>Central European Journal of Biology</i>. 7: 69-76.</u></p>
-------------------	---